

**Table S2.** COI uncorrected genetic distances between species of the families Sacculinidae and Polyascidae. Above the diagonal is the SD

Species	1	2	3	4	5	6	7	8	9	10	11
1 <i>Loxothylacus panopaei</i> HQ848063		0.02 22	0.02 36	0.02 05	0.02 26	0.02 30	0.02 23	0.01 75	0.02 13	0.02 37	0.02 17
2 <i>Sacculina carcini</i> AY117692	0.25 34		0.02 35	0.02 06	0.02 25	0.02 24	0.02 24	0.02 07	0.02 14	0.02 36	0.02 15
3 <i>Sacculina oblonga</i> DQ059780	0.31 27	0.32 08		0.02 23	0.01 89	0.01 60	0.02 00	0.02 35	0.02 41	0.01 80	0.02 40
4 <i>Sacculina pugettiae</i> MW401796	0.21 83	0.21 56	0.28 30		0.02 17	0.02 31	0.02 09	0.01 98	0.02 06	0.02 33	0.02 06
5 <i>Sacculina granifera</i> DQ059779	0.28 30	0.29 65	0.16 71	0.26 15		0.01 93	0.01 56	0.02 13	0.02 28	0.02 05	0.02 25
6 <i>Sacculina yatsui</i> MG604303	0.31 27	0.32 08	0.10 24	0.29 65	0.17 25		0.01 91	0.02 30	0.02 36	0.01 77	0.02 36
7 <i>Sacculina beauforti</i> MT941868	0.26 42	0.26 68	0.19 14	0.24 53	0.11 86	0.16 71		0.02 08	0.02 19	0.02 10	0.02 25
8 <i>Loxothylacus texanus</i> HQ848066	0.13 48	0.22 64	0.29 92	0.19 41	0.25 34	0.28 84	0.23 72		0.02 15	0.02 29	0.02 18
9 <i>Heterosaccus dollfusi</i> KY030832	0.25 61	0.22 37	0.31 81	0.21 83	0.26 68	0.31 27	0.25 34	0.25 34		0.02 38	0.01 28
10 <i>Parasacculina pilosella</i> MW401797	0.30 73	0.33 96	0.14 02	0.30 73	0.21 02	0.13 48	0.21 83	0.29 92	0.32 61		0.02 32
11 <i>Heterosaccus lunatus</i> DQ059778	0.25 61	0.22 10	0.31 54	0.20 49	0.26 15	0.31 54	0.25 07	0.25 07	0.07 01	0.31 81	