

**Table S4.** 18S sequence pairwise distances for the species of the family Peltogastridae

№	Species	Between species (above the diagonal is the SD)													Within species mean ± SD	
		2	3	4	5	6	7	8	9	10	11	12	13	14		
1	<i>B. auratum</i>		0.002	0.002	0.002	0.001	0.002	0.004	0.005	0.005	0.004	0.004	0.003	0.006	0.006	n/c
2	<i>B. hoegi</i> sp. nov.	0.007		0.001	0.003	0.002	0.003	0.004	0.005	0.005	0.004	0.005	0.004	0.006	0.006	0.001±0.001
3	<i>P. lineata</i>	0.008	0.003		0.003	0.002	0.003	0.004	0.005	0.005	0.004	0.005	0.004	0.006	0.006	0.001±0.001
4	<i>P. curvata</i>	0.008	0.014	0.013		0.001	0.002	0.005	0.005	0.005	0.004	0.004	0.004	0.006	0.006	n/c
5	<i>P. paguri</i>	0.005	0.011	0.011	0.005		0.002	0.004	0.005	0.005	0.004	0.004	0.004	0.006	0.006	0.010±0.003
6	<i>G. striatus</i>	0.006	0.012	0.011	0.008	0.008		0.005	0.005	0.005	0.004	0.004	0.004	0.006	0.006	n/c
7	<i>L. porcellanae</i>	0.040	0.039	0.041	0.045	0.043	0.045		0.004	0.004	0.003	0.005	0.005	0.007	0.007	0
8	<i>L. ingolfi</i>	0.046	0.046	0.048	0.050	0.049	0.050	0.040		0.004	0.005	0.006	0.006	0.007	0.007	0
9	<i>L. rybakovi</i>	0.046	0.046	0.047	0.050	0.049	0.050	0.040	0.029		0.004	0.006	0.005	0.007	0.007	n/c
10	<i>L. kasyanovi</i>	0.029	0.028	0.029	0.033	0.032	0.033	0.022	0.034	0.034		0.005	0.005	0.006	0.006	n/c
11	<i>S. rodriguezii</i>	0.034	0.038	0.038	0.034	0.035	0.034	0.059	0.064	0.062	0.049		0.005	0.006	0.006	n/c
12	<i>T. boschmai</i>	0.017	0.021	0.023	0.024	0.021	0.022	0.043	0.052	0.053	0.040	0.043		0.006	0.006	n/c
13	<i>C. norvegicus</i>	0.064	0.064	0.064	0.067	0.065	0.063	0.076	0.079	0.083	0.070	0.075	0.068		0.006	n/c
14	<i>P. sulcata</i>	0.061	0.059	0.060	0.063	0.062	0.061	0.076	0.078	0.082	0.067	0.076	0.065	0.067		0